

>SEQID#1_SGP037

ATGTCAA CAGCTGCCCTTAATTACTTTGGTCA GAAGTGGTGGGAACCCAGGTGAGAA GGAGAGTGTGCTAAGCTCCCGCCTGCTGCAGGACGACA
GGCGGGTGACACCCACGTGCCACAGCTCCACITTCAGAGCCCTAGGTGTTCTCGGTTTGACCCAGATGGTAGTGGAGTCCAGCTACCTGGGACAA
TTTTGGGATCTGGGATAACCGCATTTGATGAGCCAAATTCGTGCCACCCAGCATTAAGTATGGCAAGCCAAATGCCAAATCAGCTTGGAAAAATG
TGGGTGCGCCTCACAGATTGGCAAACGGAAAGAGAATGAAGATCGGTTTGACTTCGCTCAGCTGACAGATGAGGTCTGTACTTTGCAGTGA
TGATGGACA CGGTGGACCTGCAGCAGCTGATTTCTGTCTATACCCACATGGAGAAATGTATTATGGATTTCCTTAAGGAGAAGAACTTGGAA
ACTCTGTTGACCTTGGCTTTCTAGAAATAGATAAGCCTTTTCGAGTCAATGCCCGCCTGTCTGTGATGCAACTCTTCTGACCTCTGGGACTACT
GCAACAGTAGCCCTATITGCGAGATGGTATTGAACITGGTTGTAGCCAGTGTGGGACAGCCGGGCTATTTTGTAGAAAAGGAAAAACCCATGA
AGCTGACCAATTGACCATATCTCCAGAAAAGAAAGATGAAAAGAAAGGATCAAGAAATGTGGTGGTTTGTAGCTTGGAAATAGTTTGGGCGAGC
CTCACGTAATGGCAGGCTTGCAATGACAAGAAGTATGGAGATTGGACCTTAAGACAGTGTGTATAGCAGAACCTGAAACTAAGAGGAT
TAAGTTACATCATGCTGATGACAGCTTCCCTGGTCTCAACACAGATGGAATTAACCTTCATGGTGAATAGTCAAGAGATTGTGACTTTGTCAATC
AGTGCCATGATCCCAAACGAAGCAGCCCATGCGGTGACTGAACAGGCAATACAGTACGTAACGATTAACAGTACTGCAGTAGTAGTGCCCTT
TGGTGCCCTGGGGAAAAATATAAGAACTCTGAAATCAACTTCTCATTCAGCAGAAAGCTTTGCCCTCCAGTGACGATGGGCTGA

>SEQID#2_SGP037

MSTAALITLVRSGGNQVRRRLQDDRRVTFTCHSSTSEPRCSRFPDGGSPATWDNFGIWDNRIDEPI LLPSKYGKPIPKISLENVGCASQIG
KRKENEDRFDFAQLTDEVLYFAVYDGHGGPAAADFCHTHMEKCMDLLPKEKNLETLTLAFLHDKAFSSHARLSADATLLTSGTTATVALLRDGIEL
VVASVGDSRAILCRKGKPMKLTIDHTPERKDEKERIKKCGGFVAWNSLGQPHVNGRLAMTRSIGDLDLKTSGVLAEPETKRKLHHADDSFLVLTDDGI
NEMVNSQEICDFVNOCHDPNEAAHA VTEQAIQYGTEDNSTAVVPFGAWGKYKNSEINFSESRSPASSGRWA